



## FIG. 1

1	CCCTTCTCCAGGGACTCTGGCTGCCAGCAGCTCCGCCTTTCAGATCAATTCTCGACCACC	60
61	######################################	120
121	CCAGGACCTCAAACCACCCCCAACTCAACCTCACCAACTCACCCCAACACCTCACCCCAACACCCAACACCCAACACCCAACACCAACACCAACAC	180
181	TTTOOTKCCOTTOTTOCTAKKACOAKOOTTOCTCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT	240
241	TTGEGACCACCTCCTCCTCCTCTTGCTGCCCTCGACGACCCTGGCCCCCCCC	300
301	ATCCATGCCCCCCCTGCCCCCCCCCCCCGGGGCTTCCCCGAAGCCCCCCGGGG S H G P A A A L L Q V L G L P E A P R S	360
361	COTCCCCACACCCACCTGTCATGTCATGTCGCCGTATTCCGTCGCCGTGACCC	420
421	CCACCACGCCACACTCCCACCTCTCCCCCCCACCTACCACCACCTACCCCCC	480
481	CCCCAAACATTCTCCCCCACATCCCCCAACCCCTTCTTCCTCC	540
541	CAGGACCTCCCCCCTGTCCCCCCAGTGGACAGTCGTCTTTGACCTGTCGAATGTGGAGCC	600
601	CACACACCCCCAACACCCCCCCCTTACACTTGCCCCTGCAGGCTGAGGTGTCAACATAC T E R ? T R A R L E L R L E A E C E D T	660
661	AGGAGGGTGGGAGCTAAGCGTGGGCACTGGGGCAGAGCATCCAGGGCCTGAGGT G G W E L S V A L W A D A E B P G P E L	720
721	GCTGCGCGTGCCGCCCACCACGACCTGCTGCTGCGCGCACTACTGCGGACTGCAGT L R V P A P P G V L L R A D L L G T A V	780
781	AGCCGCCAACGCATCAGTGCCCTGTACTGTGCGCCTTGGCGCTGTCACTGCACCCTGGGGCAACAAAAAAAA	840
841	CACTGCAGCCTGTGGGCCTGCTGAGGCCTAGACGCTAGACACACAC	900
901	CCTGTGTCCCTGCCCCATACACGCCCACCCCACGCTACAAGTTCCCACGT L C ? L ? R L ? R L ? R V E V G ? V	960
961	GT C.R.T.R.R.L.H.V.S.F.R.E.V.G.W.H.R.W.	1020
021	GCTCATCCCCCCCCCCTACCCCAACTTCTCCCCACCCACC	1080
081	AACGCTGACCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	1140
141	GCACGCAGGTGGTGCCACCCCGGGTGCACGCGTGCCTGCGTGCG	1200
	H A A A P T P G A G S P C C V P E R L S	
201	ACCIDATOTOCTOCTOCTOCTOCACACACACACACACACACACAC	1250
251	CATGOTOGTOGATCACTGTCCCGTTCACCACCCCGGGACACCCGTTTCACCACCGCCCGGACACCCGTTTTCACCACCGCCGGACACCCGTTTTCACCACCGCCGGACACCCGTTTTCACCACCGCGGACACCCGTTTTCACCACCGCCGGACACCCGTTTTCACCACCGCCGGACACCGCGTTTTCACCACCGCGGACACCGCGTTTTCACCACCGCGGACACCGCGTTTTCACCACCGCGGACACCGCGTTTTCACCACCGCGGACACCGCGTTTTCACCACCGCGGACACCGCGTTTTCACCACCGCGGACACCGCGGACACCGCGGACACCGCGGACACCGCGGACACCGCGGACACCGCGGACACCGCGGACACCGCGGACACCGCGGACACCGCGGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACCGCGACACACCGCGACACACCGCACACCGCGACACACCGCACACACCGCACACACCGCGACACACCGCACACACCGCACACACACACACACCGCA	1329
32:	CCACGCAMAGCAGGGAGTGTTTGATGCATGTTTTATTGGTGACAAAAAGCTTAAAACAA	1380
181	1707	